

ESTIMACIÓN DE LA VARIABILIDAD GENÉTICA DE LA RAZA CRIOLLO LIMONERO UTILIZANDO SU INFORMACIÓN GENEALÓGICA.

Estimation of the genetic variability in the “Criollo Limonero” breed using its genealogical data

¹Villasmil-Ontiveros, Y.; ¹Román, R.; ²Contreras, G.; ²Bracho, I.; ²Zambrano, S
¹Aranguren-Méndez, J.

LUZ. Facultad de Ciencias Veterinarias, Departamento de Producción e Industria Animal.

²INIA. Estación Experimental Carrasquero, Maracaibo estado Zulia. Correo-E: atilioaranguren@icnet.com.ve

RESUMEN

Con el objetivo de poner en marcha un programa de conservación genética en la raza Criollo Limonera, se llevó a cabo un estudio donde se evaluó la variabilidad genética del rebaño, para ello se utilizaron registros genealógicos de la raza en la Estación Experimental Carrasquero y se colectaron 2552 registros de nacimientos entre los años 1985-2003. Se determinó la consanguinidad global (CG) e individual del rebaño, el promedio de relación (PR) y los parámetros de la probabilidad de origen del gen, número de fundadores (NF), número efectivo de fundadores (f_e), número efectivo de ancestros (f_a) y el Número de fundadores que explican el 50% (F50) y el 70% (F70) de la variabilidad genética. La CG en el 2003 fue de 0,35% y el PR 3,4%, el NF 291, f_e 47,8 y f_a 278; los valores de F50 y F70 fueron 11 y 52. La CG no tuvo un incremento marcado a pesar que el PR indicó que existe una alta relación entre los individuos de la población, por lo que los apareamientos deben planificarse con cuidado para evitar el cruce de animales emparentados, los valores de probabilidad de origen del gen indican que la población ha sido bien manejada genéticamente y existe una diversidad que debe preservarse, dada la importancia que representa este germoplasma para la región y el país.

Palabras clave: Criollo Limonero, probabilidad de origen del gen, consanguinidad.