

EXPLORACIÓN INICIAL DE LA DIVERSIDAD GENÉTICA DEL CERDO CRIOLLO VENEZOLANO USANDO RAPD`S

Galíndez, R.; Ramis, C. y Angulo, L.

Universidad Central de Venezuela, Facultad de Agronomía, Instituto de Producción Animal/Centro de Investigaciones en Biotecnología Agrícola. Correo: galindezr@agr.ucv.ve.
galindez70@yahoo.com.

Con el objetivo de analizar la diversidad genética del cerdo Criollo venezolano se colectaron muestras de folículos pilosos de 48 individuos de las variedades negro, rojo y manchado; localizados en La Tranca (Barinas); Masaguaral, El Socorro y Guayabal (Guárico) y Capanaparo (Apure). Se utilizaron los cebadores OPA – 2, 13, 20 y OPC – 2, 5. Se realizó la electroforesis y se generó una matriz de presencia/ausencia de bandas, a partir de la cual se determinó el porcentaje de loci polimórficos y el análisis de agrupamiento (UPGMA) basado en la distancia de Jackard. Se produjeron entre 7 y 14 loci/cebador, con un promedio de 10,4. En Masaguaral se observó 85% de polimorfismo, en El Socorro 77%, en La Tranca 77%, en Capanaparo 65% y en Guayabal 71%. En Masaguaral se observaron dos bandas exclusivas (OPA – 20, 9500 pb; OPC – 2, 8700 pb); en Capanaparo una (OPA – 2, 2800 pb) y en Guayabal dos (OPA – 2, 1500 pb; OPA – 20, 2900 pb). Se evidenció 92%, 83% y 85% de polimorfismo en los cerdos negros, rojos y manchados, respectivamente. Se observaron los siguientes fragmentos exclusivos en los cerdos negros (OPA – 2, 4000 pb; OPA – 20, 9500 pb; OPC – 2, 5200 pb), en los rojos (OPA – 20, 2900 pb) y en los manchados (OPA – 2, 1500, 2800 pb). El UPGMA mostró que no existe separación clara entre poblaciones, con excepción de algunos individuos de Capanaparo, lo que evidencia el origen común y la ausencia de barreras geográficas que ocasionara la divergencia entre los grupos.

Palabras Clave: distancia genética, dendograma, distancia de Jackard.